

# MICROBIOLOGIE, INFECTIOLOGIE ET IMMUNOLOGIE

Université   
de Montréal

## CONFÉRENCE

**Dr. Ognjen Sekulovic, Ph.D.**

Department of Molecular Biology and Microbiology  
Tufts University School of Medicine  
Boston, Massachusetts, US

**Your clonal bacterial population is not clonal:  
lessons from the enteric pathogen *Clostridioides difficile***

L'adaptation rapide aux changements abrupts des conditions environnementales est un défi commun à tous les organismes vivants. Pour prévoir l'imprévisible, les microorganismes adoptent diverses stratégies collectives qui dans l'ensemble visent à minimiser le risque d'extinction des populations (bet-hedging). Par exemple, certaines espèces bactériennes peuvent générer une diversité phénotypique, héréditaire et aléatoire qui simultanément augmente les chances de survie dans des conditions variées (phénomène de variation de phase). L'identification des composantes génétique et les mécanismes moléculaires qui gouvernent la variation de phase est laborieuse et empirique. Dans cette présentation, je vais démontrer comment le séquençage génomique à haut débit peut être utilisé pour sonder l'hétérogénéité des populations clonales d'une manière systématique, sur l'ensemble du génome et indépendamment de l'espèce. La preuve du concept et la caractérisation des éléments identifiés seront illustrés dans le contexte du pathogène entérique *Clostridioides difficile*.

**Jeudi 12 mars 2020 à 11h30  
Pavillon Claire-McNicoll, salle Z-205**

Invité par Dr Hugo Soudeyns  
Tél. 514 343-6285  
Courriel: hugo.soudeyns@umontreal.ca